



ANAHTAR KELİMELER

- ✓ Mikrobiyota
- ✓ Sekal Dışkı
- ✓ DNA İzolasyonu
- ✓ PCR
- ✓ 16S rDNA

İLETİŞİM

E-POSTA:
ismailozkan984@gmail.com

TEZ DANIŞMANI

TELEFON:
0224 294 08 54

E-POSTA:
serpilkahya@uludag.edu.tr



ANADOLU-T ETÇİ DAMIZLIK TAVUKLARIN 16S METAGENOMİK SEKANSLAMA YÖNTEMİ İLE MİKROBİYOTA PROFİLİNİN BELİRLENMESİ

İSMAİL ÖZKAN

0000-0002-2089-3323
BURSA ULUDAĞ ÜNİVERSİTESİ
SAĞLIK BİLİMLERİ ENSTİTÜSÜ
MİKROBİYOLOJİ ANABİLİM DALI
DOKTORA PROGRAMI

MEZUNİYET TARİHİ: 18.12.2025

DANIŞMAN

Prof. Dr. Serpil KAHYA DEMİRBİLEK
0000-0001-6138-7163
BURSA ULUDAĞ ÜNİVERSİTESİ
SAĞLIK BİLİMLERİ ENSTİTÜSÜ
MİKROBİYOLOJİ ANABİLİM DALI
BURSA - TÜRKİYE



TEZ ÖZETİ

Bu tez çalışmasında, Eskişehir Geçit Kuşağı Tarımsal Araştırma Enstitüsünde 5 farklı özellikteki 2000 adet saf hat etçi tavuk (A1,A2,A3,B1,B2) kullanıldı. Her bir saf hattın 3, 8, 15, 25 ve 32 haftalık yaşlarda tesadüfi olarak 20'şer adet olmak üzere toplamda 100 adet sekal dışkı örneği toplandı. Toplanan bu örneklerden DNA izolasyonu yapılarak sekumdaki bakteri florasının çeşitliliği, 16S rDNA gen dizisinin analiziyle incelendi. Tüm örneklerde en yüksek oranda görülen cins %9,125 ortalama değeri ile *Bakteriodes* en az görülen cins %0,005 ortalama değeri ile *Ruminococcus* oldu. Toplamda 306 farklı bakteri türü saptandı. En yüksek oranda tespit edilen takson *Akkermansia muciniphila* olup, bu taksonun ortalama oranı (%1.4 ± 8.31) olarak belirlendi. Sonuç olarak, metagenomik analizler sonrasında elde edilen bulguların literatür ile uyumlu olduğu görülmektedir.

TEZ SONUÇLARININ UYGULAMA ALANLARI

Anadolu-T etçi damızlık saf hatlarımızın mikrobiyota çeşitliliği ortaya konuldu. Hatların aralarındaki mikrobiyota farklılıkları belirlendi. Etçi damızlıkların normal mikrobiyom kompozisyonu öğrenilerek gelecekte yaşanabilecek sağlık problemlerinin önüne geçilmesi ve konak performansı üzerinde olumlu bir etkiye sahip mikrobiyota seçimine ışık tutulması sağlanmış oldu.

AKADEMİK FAALİYETLER

1. Tetik K., Özkan İ., Kahya Demirbilek, S. (2025). Determination of the cecal microbiota profile of Anadolu-T broiler breeder chickens using 16S metagenomic sequencing. *Turkish Journal of Veterinary & Animal Sciences* 49 (6): 249-258..
2. Sarıca, M., Erensoy, K., Özkan, İ., Oğuzhan, E., & Çağlak, S. (2021). Anadolu-T Etlik Piliç Saf Hatlarının Gelişme ve Karkas Özellikleri. *Turkish Journal of Agriculture-Food Science and Technology*, 9(11), 1980-1987.